

Reporte de vigilancia genómica del virus SARS-CoV-2 en México

Distribución Nacional y Estatal de variantes al 02 de junio 2023

Dirección General de Epidemiología

Instituto de Diagnóstico y Referencia Epidemiológicos

Biología Molecular y Validación de Técnicas

Unidad de Desarrollo Tecnológico e Investigación Molecular



SALUD
SECRETARÍA DE SALUD

DIRECCIÓN GENERAL
DE EPIDEMIOLOGÍA



2023
AÑO DE
Francisco
VILLA
EL REVOLUCIONARIO DEL PUEBLO



Importancia de la vigilancia genómica

- Todos los virus cambian con el paso del tiempo, y también lo hace el SARS-CoV-2, el virus causante de la COVID-19.
- La mayoría de los cambios tienen escaso o nulo efecto sobre las propiedades del virus.
- Es importante vigilar estos cambios porque algunos pudieran influir sobre la propagación, gravedad de la enfermedad, eficacia de las vacunas o medicamentos, medios de diagnóstico u otras medidas de mitigación y control de la enfermedad.
- Nota: Para reflejar mejor el panorama actual de variantes, dominado por linajes descendientes de Omicron, la OMS actualizó su sistema de seguimiento y las definiciones de trabajo de VOC y VOI el día 30 de marzo de 2023.

<https://www.who.int/publications/m/item/updated-working-definitions-and-primary-actions-for--sars-cov-2-variants>

- Actualmente, existen dos clasificaciones de la Organización Mundial de la Salud para los linajes descendientes de Omicron, que recientemente se encuentran circulando a nivel mundial (VOIs a partir del 21 de abril 2023) (VUMs a partir del 17 de mayo 2023):
 - Variantes de interés (**VOI** por sus siglas en inglés). **XBB.1.5 y XBB.1.16**
 - Variantes bajo monitoreo (**VUM** por sus siglas en inglés). **BQ.1, BA.2.75, CH.1.1, XBB*, XBB.2.3, XBB.1.9.1 y XBB.1.9.2**

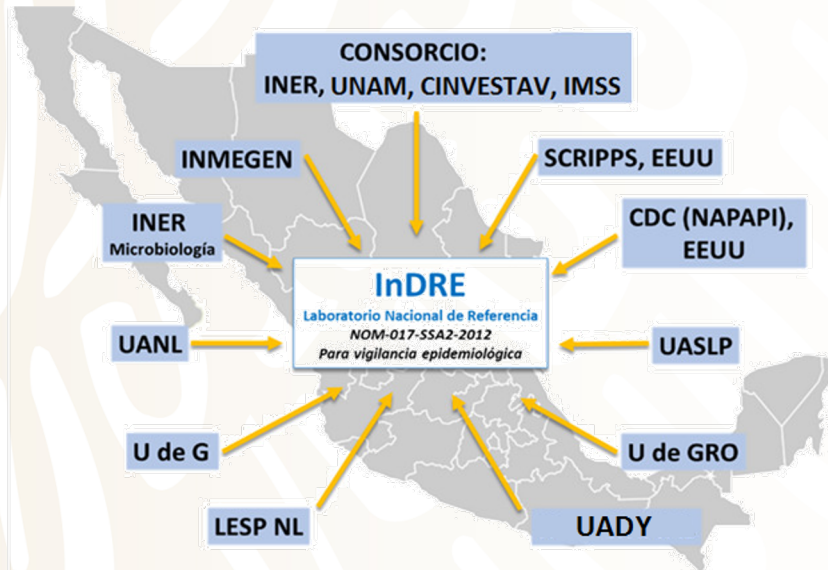
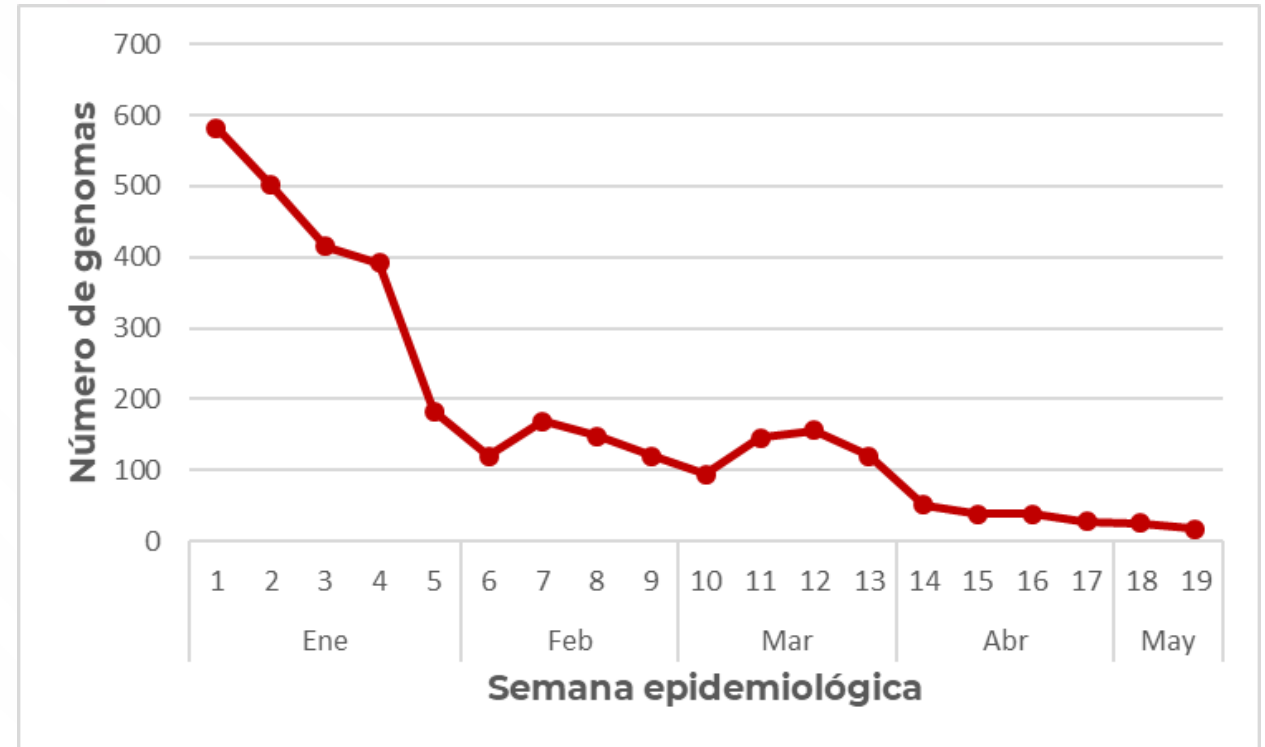


* Excluye los sublinajes XBB enlistados en VOI y VUM.



Número de genomas estudiados en México de COVID-19 en 2023

Al corte del 02 de junio 2023 y análisis hasta la semana epidemiológica 19, un total de **88,065** secuencias se depositaron en GISAID, una iniciativa global de intercambio de datos de vigilancia genómica de virus de influenza y el SARS-CoV-2.



Variantes por entidad federativa: corte al 02 de junio 2023

Clasificación de la Variantes de acuerdo a la OMS.

<https://www.who.int/activities/tracking-SARS-CoV-2-variants/tracking-SARS-CoV-2-variants>

Datos tomados de la base pública GISAID <https://www.gisaid.org/>

Entidad	Linajes descendientes de Omicron									Otras Omicron	Otros
	(VOI)		Variantes bajo monitoreo (VUM)								
	XBB.1.5	XBB.1.16	BA.2.75	XBB*	BQ.1	XBB.2.3	CH.1.1	XBB.1.9.1	XBB.1.9.2		
Ciudad de México y Estado de México											
CDMX	817	-	4	347	987	2	10	4	-	9,745	10,914
MEX	160	1	2	85	356	-	2	-	-	3,281	3,962
Frontera											
CHH	7	-	-	2	53	-	-	-	-	415	1,211
COA	4	-	-	2	27	-	-	-	-	383	966
NLE	20	-	-	32	184	-	1	-	-	2,132	2,704
TAM	4	-	-	95	96	-	-	-	-	859	1,026
Pacífico norte											
BCN	12	-	-	26	107	-	1	-	-	1,183	2,776
BCS	21	-	-	2	11	-	-	-	-	567	643
NAY	3	-	-	0	-	-	-	-	-	146	251
SIN	10	-	-	11	83	-	-	-	-	699	1,645
SON	4	-	-	3	38	-	-	-	-	443	1,035
Pacífico centro											
COL	30	-	-	13	59	-	-	-	-	293	377
JAL	39	-	-	16	117	-	2	-	-	1,313	1,360
MIC	53	-	-	12	44	-	-	-	-	403	650
Pacífico sur											
GRO	3	-	-	8	7	-	-	-	-	560	298
MOR	12	-	-	10	28	-	-	-	-	268	726
OAX	1	-	-	6	-	-	-	-	-	580	457
PUE	64	-	-	22	91	-	-	-	-	672	1,309
Centro											
HID	9	-	-	5	19	-	1	-	-	529	897
TLX	3	-	-	0	7	-	-	-	-	95	177
VER	16	-	-	43	33	-	-	-	-	762	1,508
Centro norte											
AGS	5	-	-	1	24	-	-	-	-	461	565
DUR	1	-	-	1	13	-	-	-	-	176	422
GUA	20	-	-	15	104	-	-	-	-	876	1,815
QRO	12	-	-	19	64	-	8	-	-	431	1,077
SLP	8	-	-	33	44	-	-	-	-	452	621
ZAC	19	-	-	7	57	-	-	-	-	429	829
Península											
CAM	2	-	-	13	4	-	-	-	-	437	729
CHP	1	-	-	22	8	-	2	-	-	558	495
QROO	41	-	2	79	77	-	2	-	-	921	1,474
TAB	2	-	-	8	7	-	-	-	-	683	1,766
YUC	13	-	-	36	49	-	1	-	-	2,139	3,294
TOTALES	1,416	1	8	974	2,798	2	30	4	0	32,891	47,979

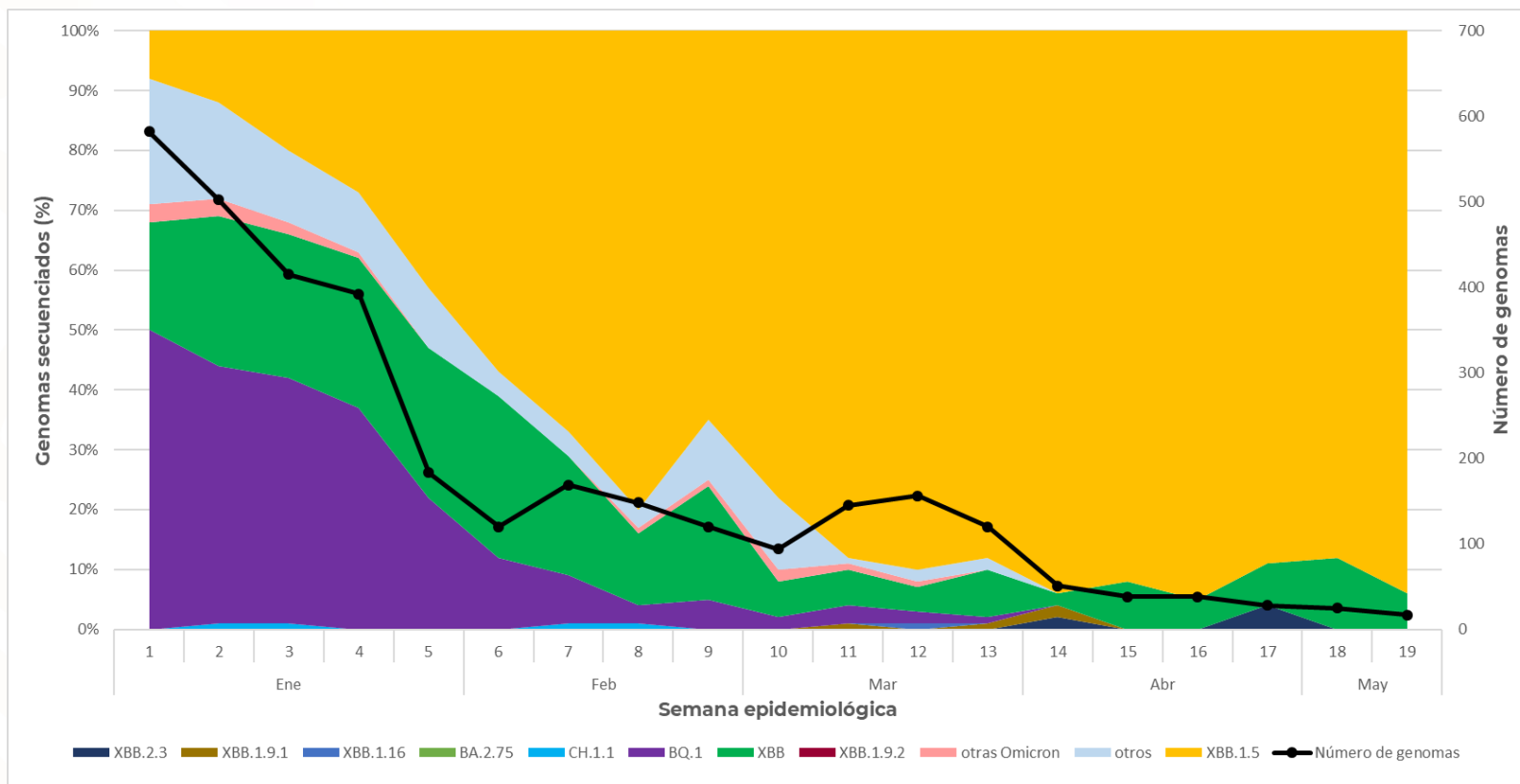
* Se excluyen los sublinajes listados como VOI Y VUM



Variantes del virus SARS-CoV-2 a nivel nacional año 2023



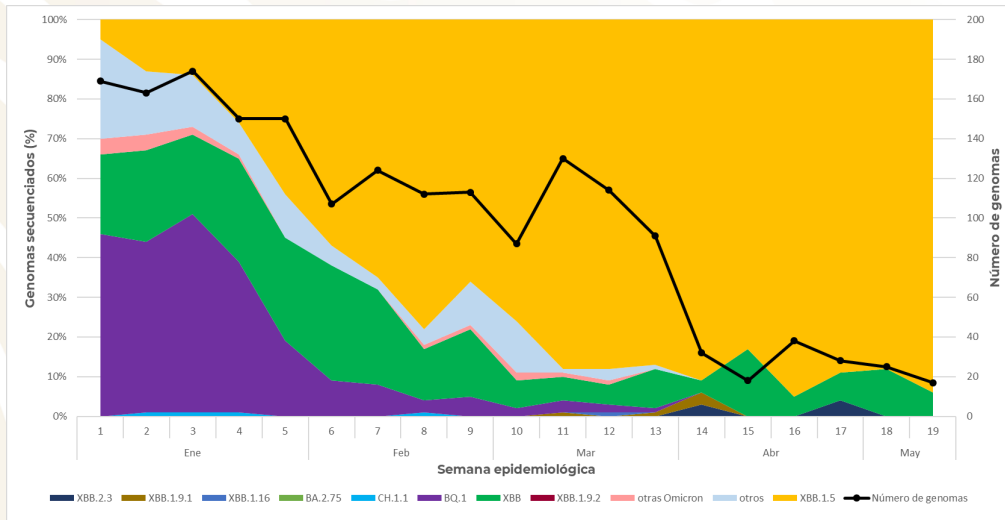
- Semana 18, hay 25 secuencias registradas: el **88%** son subvariante de Omicron **XBB.1.5** y **12%** son subvariante de Omicron **XBB**
- Semana 19, hay 17 secuencias registradas: el **94%** son subvariante de Omicron **XBB.1.5** y **6%** son subvariante de Omicron **XBB**



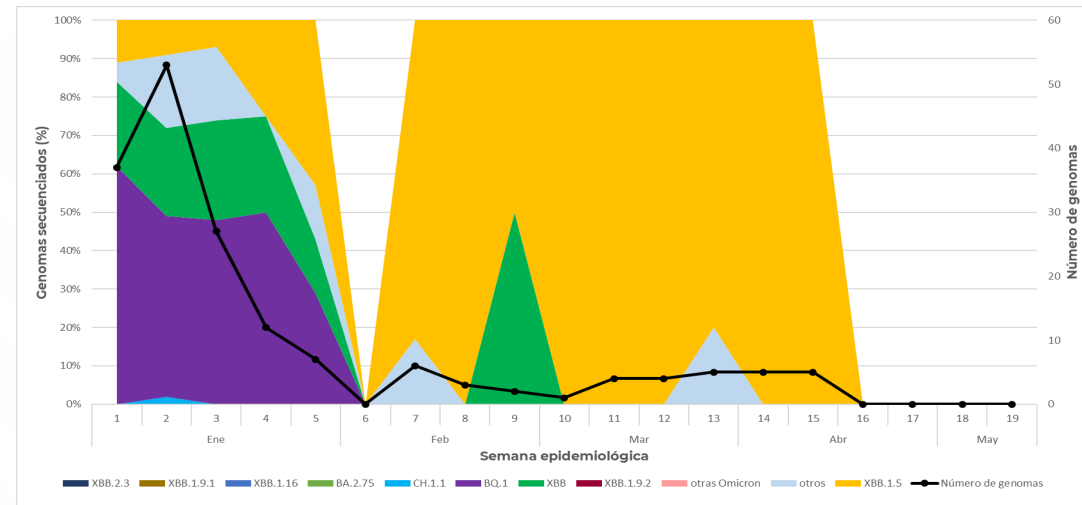
*Dentro de la clasificación de otras Omicron se encuentra: Omicron y BA.5.

Variantes de SARS-CoV-2 por regiones a partir de semana epidemiológica 01 del año 2023

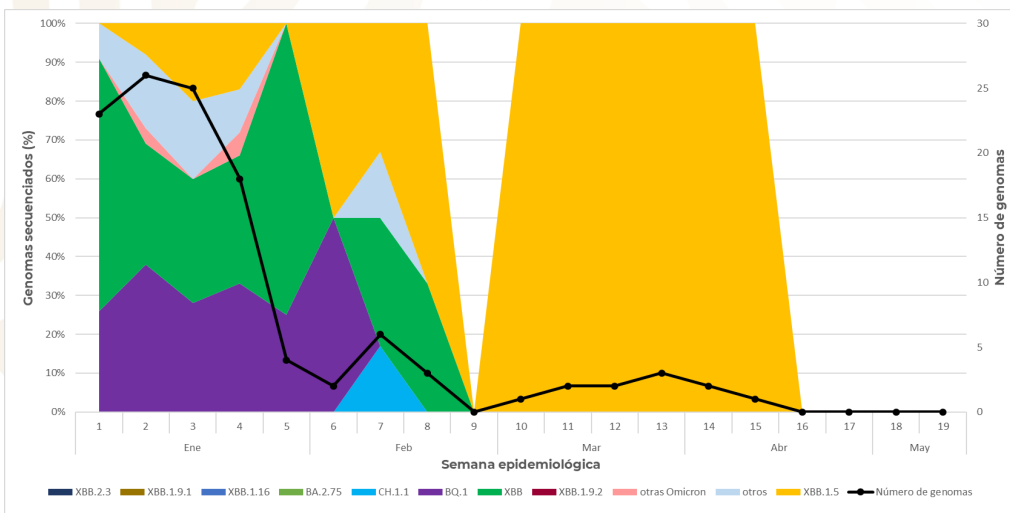
CDM: Ciudad de México y Estado de México



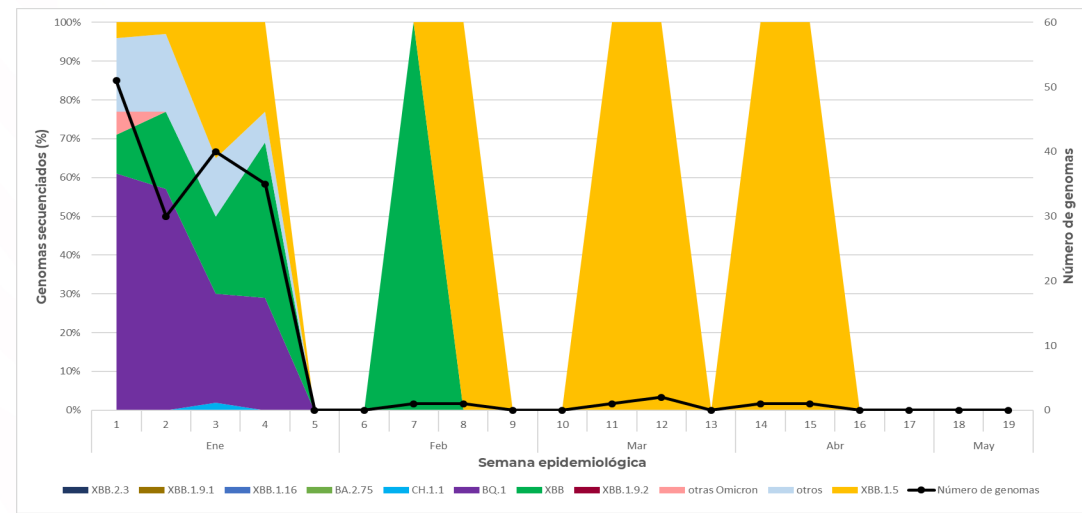
PACÍFICO NORTE: BCN, BCS, Nayarit, Sinaloa, Sonora



CTR: Hidalgo, Tlaxcala y Veracruz

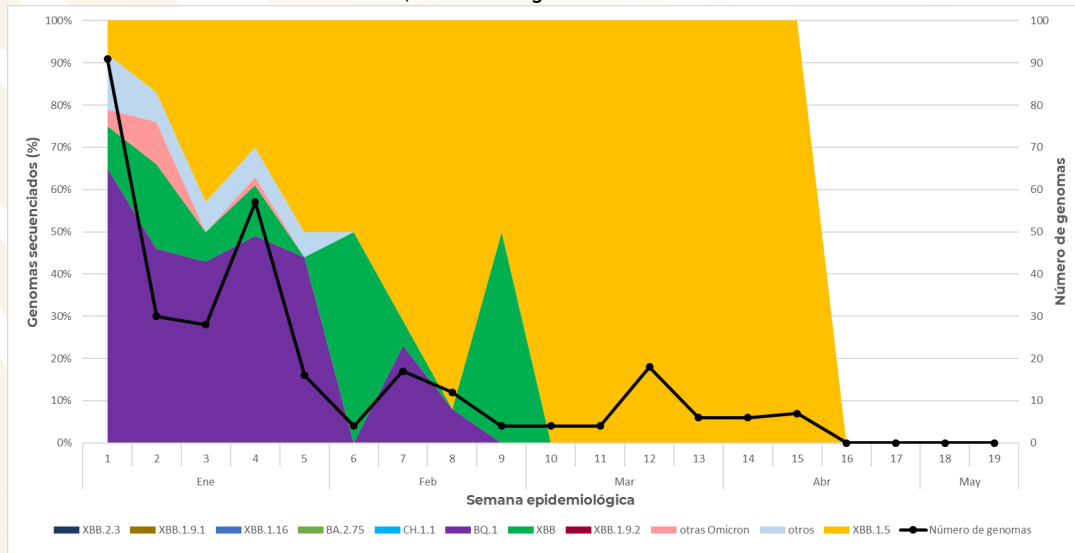


FRO: Chihuahua, Coahuila, Nuevo León y Tamaulipas

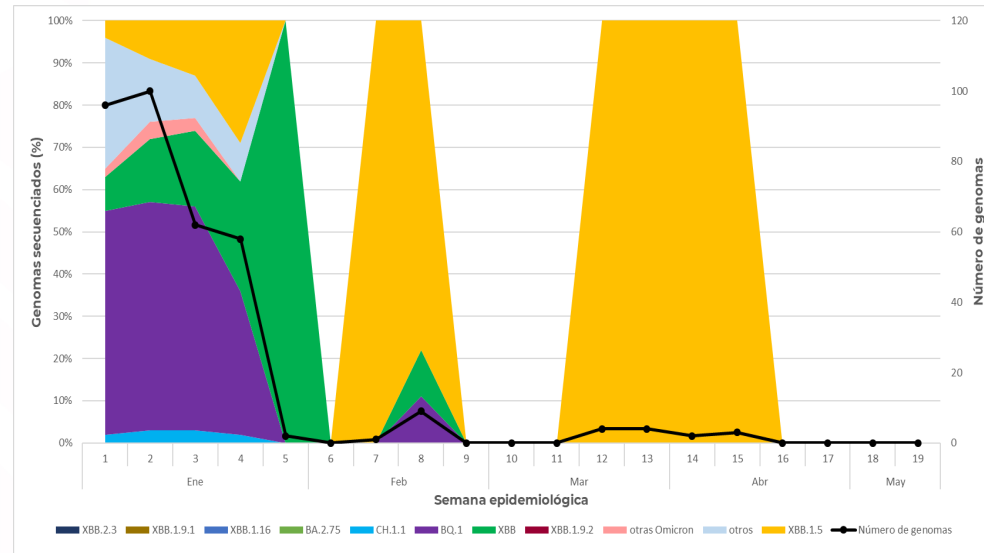


Variantes de SARS-CoV-2 por regiones a partir de semana epidemiológica 01 del año 2023

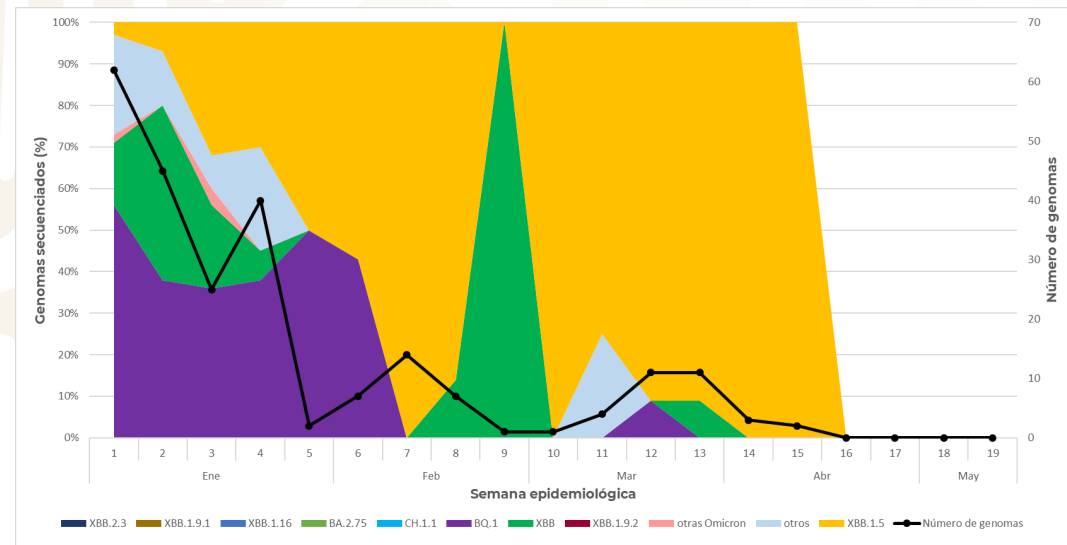
PCC: Colima, Jalisco y Michoacán



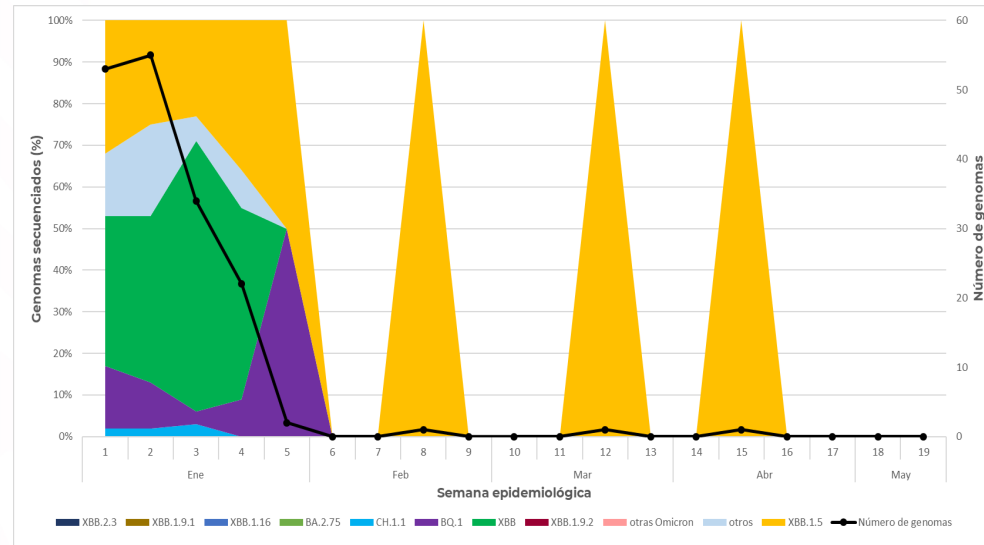
CEN: Aguascalientes, Durango, Guanajuato, Querétaro, San Luis Potosí y Zacatecas



PCS: Guerrero, Morelos, Oaxaca y Puebla



PEN: Campeche, Chihuahua, Quintana Roo, Tabasco y Yucatán



Datos tomados de la base pública GISAID <https://www.gisaid.org/>

*CEN. Semana 52 y 06 no se subieron genomas a GISAID

