

# Reporte de vigilancia genómica del virus SARS-CoV-2 en México

## Distribución Nacional y Estatal de variantes al 14 de agosto 2023

---

Dirección General de Epidemiología

Instituto de Diagnóstico y Referencia Epidemiológicos

Biología Molecular y Validación de Técnicas

Unidad de Desarrollo Tecnológico e Investigación Molecular



**SALUD**  
SECRETARÍA DE SALUD

DIRECCIÓN GENERAL  
DE EPIDEMIOLOGÍA



2023  
AÑO DE  
**Francisco  
VILLA**  
EL REVOLUCIONARIO DEL PUEBLO



# Importancia de la vigilancia genómica

- Todos los virus cambian con el paso del tiempo, y también lo hace el SARS-CoV-2, el virus causante de la COVID-19.
- La mayoría de los cambios tienen escaso o nulo efecto sobre las propiedades del virus.
- Es importante vigilar estos cambios porque algunos pudieran influir sobre la propagación, gravedad de la enfermedad, eficacia de las vacunas o medicamentos, medios de diagnóstico u otras medidas de mitigación y control de la enfermedad.
- Nota: Para reflejar mejor el panorama actual de variantes, dominado por linajes descendientes de Omicron, la OMS actualizó su sistema de seguimiento y las definiciones de trabajo de VOC y VOI el día 30 de marzo de 2023.

<https://www.who.int/publications/m/item/updated-working-definitions-and-primary-actions-for--sars-cov-2-variants>

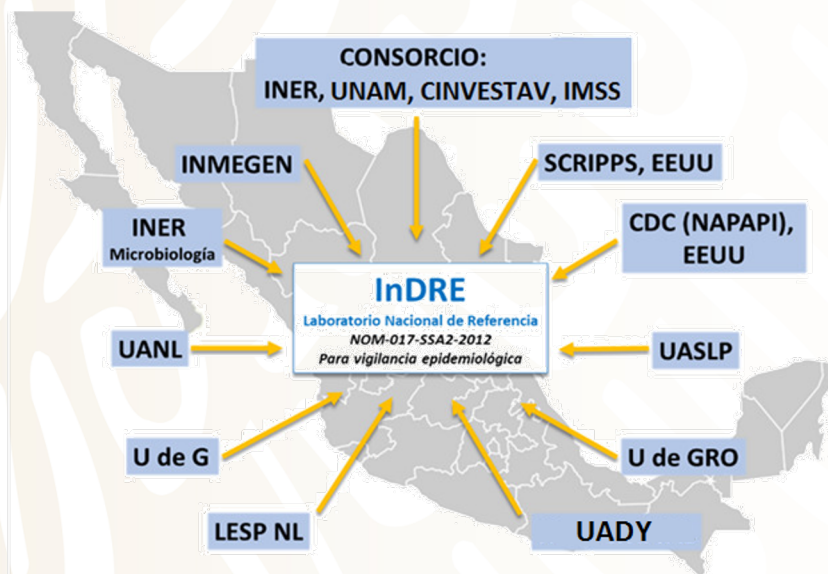
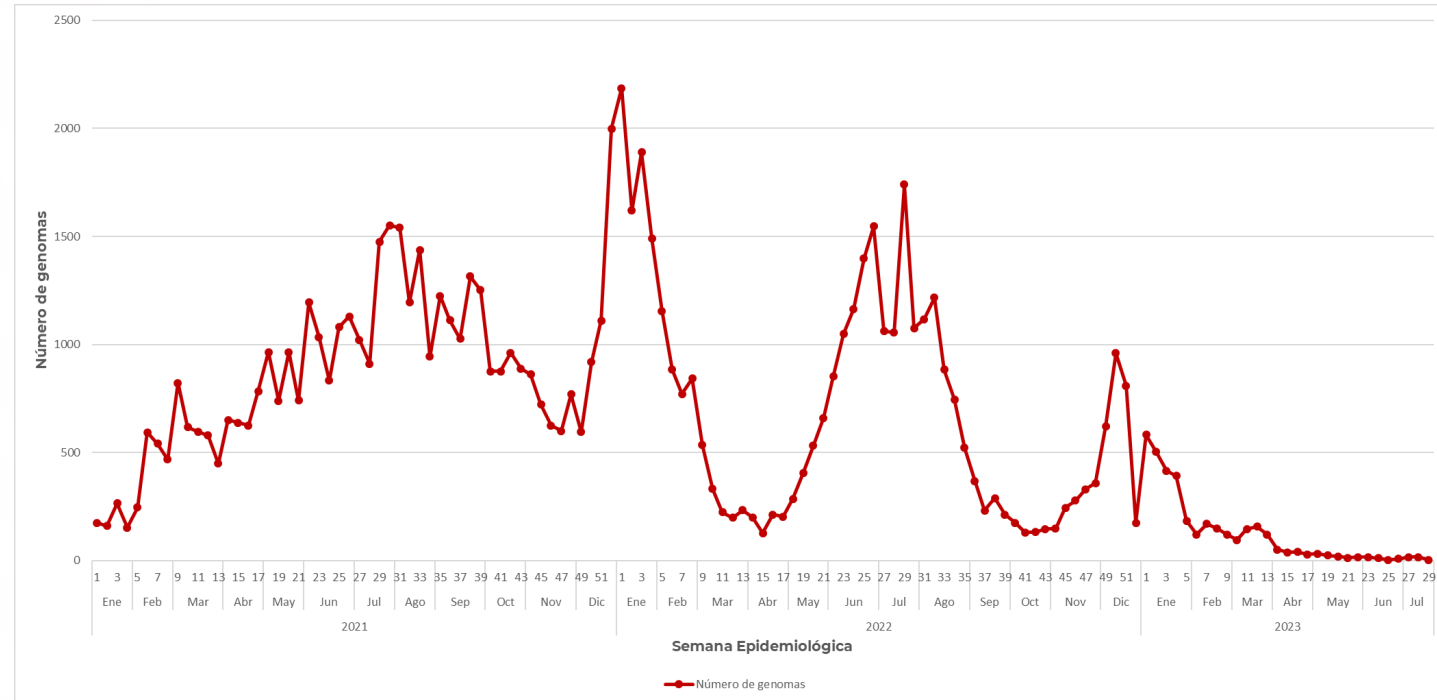
- Actualmente, existen dos clasificaciones de la Organización Mundial de la Salud para los linajes descendientes de Omicron, que recientemente se encuentran circulando a nivel mundial (VOIs a partir del 09 de agosto 2023) (VUMs a partir del 09 de agosto 2023):
  - Variantes de interés (**VOI** por sus siglas en inglés). **XBB.1.5, XBB.1.16 y EG.5**
  - Variantes bajo monitoreo (**VUM** por sus siglas en inglés). **BA.2.75, CH.1.1, XBB\*, XBB.1.9.1, XBB.1.9.2# XBB.2.3**



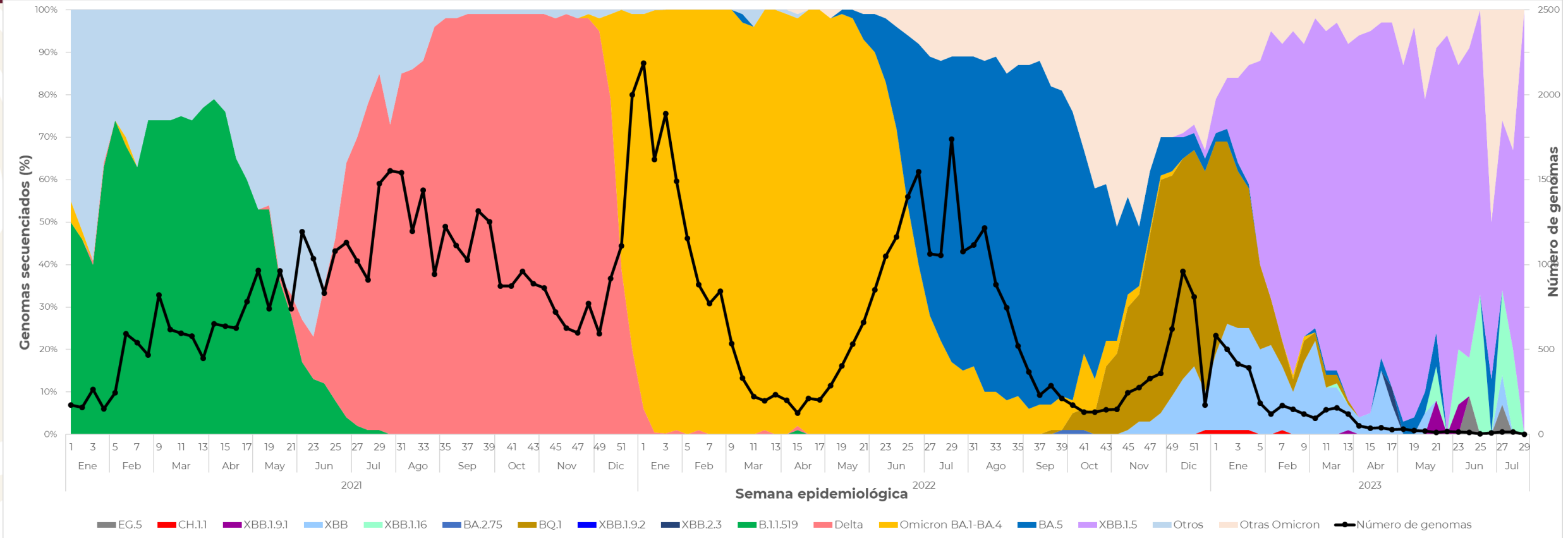


# Número de genomas estudiados en México de COVID-19 2021-2023

Al corte del 14 de agosto 2023 y análisis hasta la semana epidemiológica 29, un total de **88,238** secuencias se depositaron en GISAID, una iniciativa global de intercambio de datos de vigilancia genómica de virus de influenza y el SARS-CoV-2.



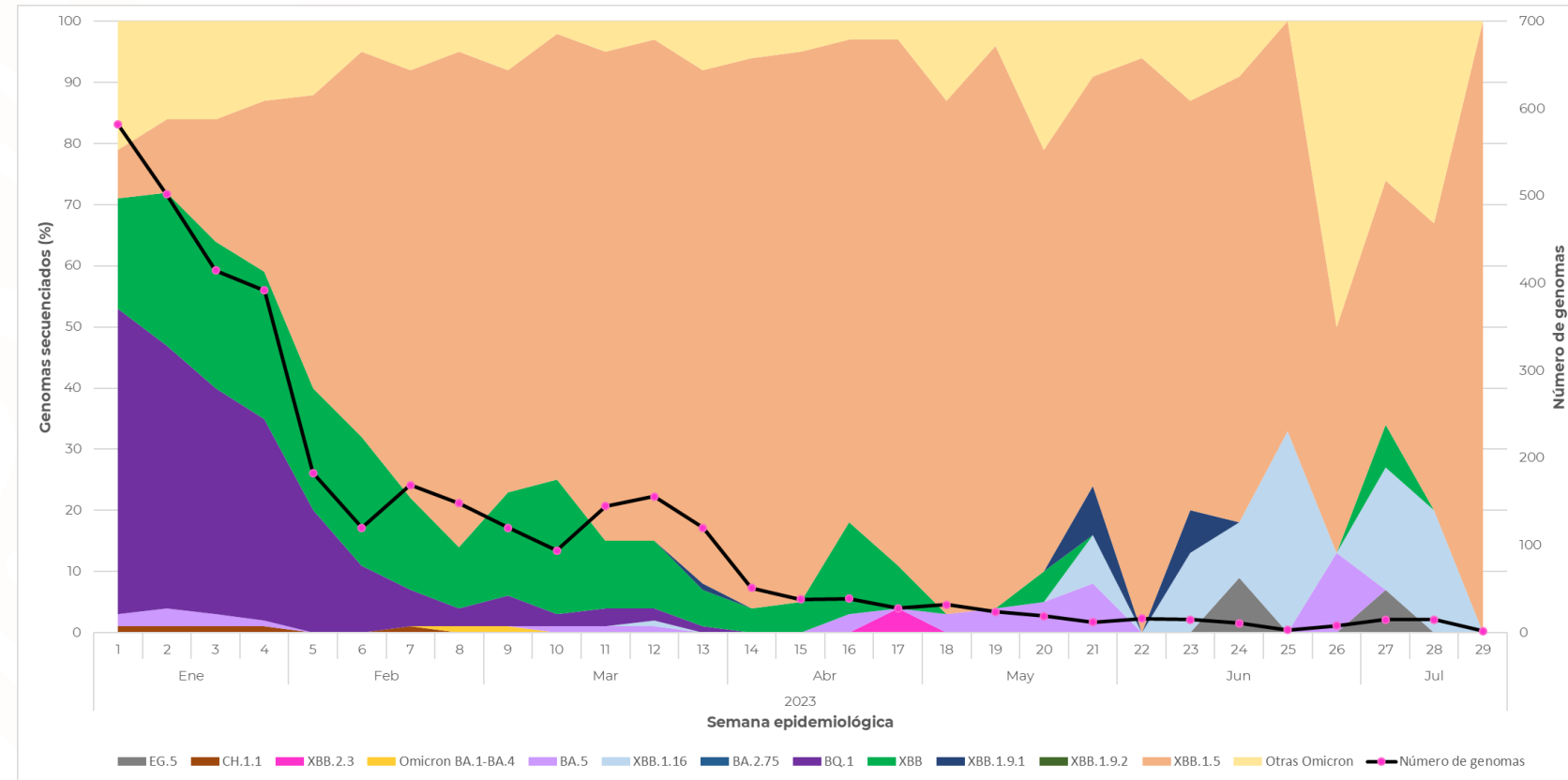
# Variantes del virus SARS-CoV-2 a nivel nacional durante 2021-2023



# Variantes del virus SARS-CoV-2 a nivel nacional año 2023



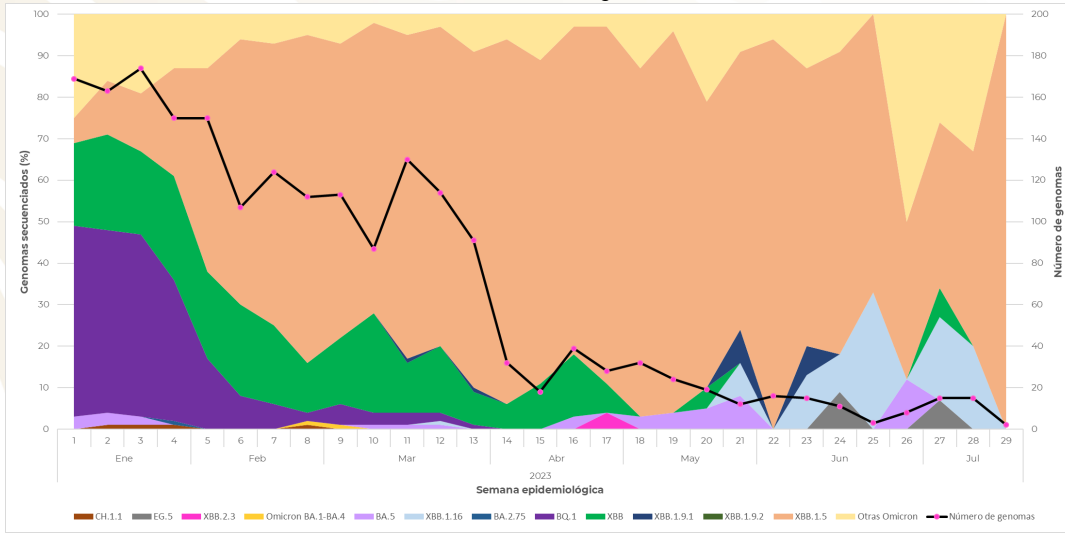
- Semana 28, hay 15 secuencias registradas: el **47%** son subvariante de Omicron **XBB.1.5**, el **20%** son **XBB1.16** y el **33%** otras Omicron.
- Semana 29, hay 2 secuencias registradas: el **100%** son subvariante de Omicron **XBB.1.5**



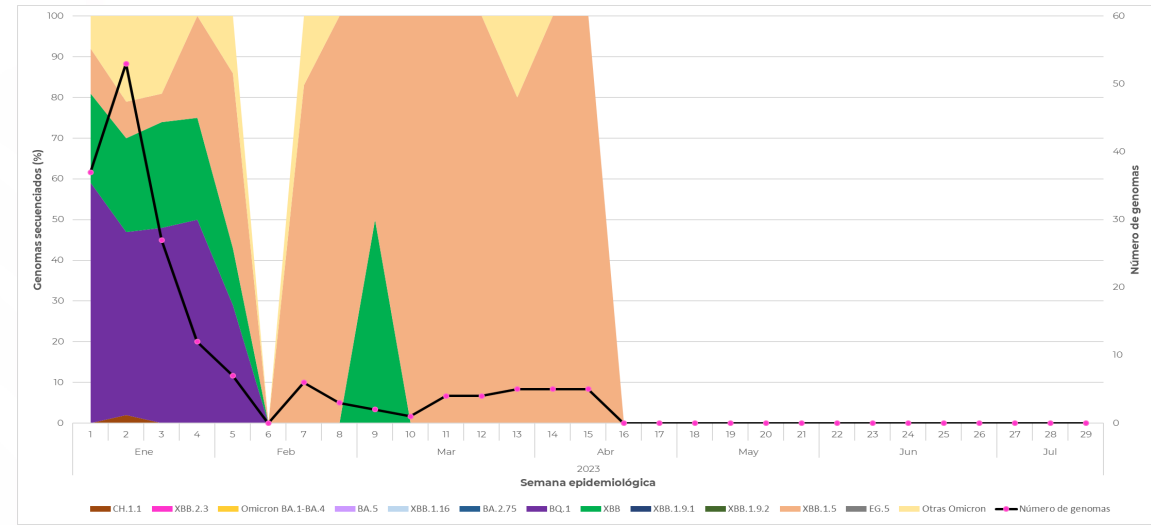


# Variantes de SARS-CoV-2 por regiones a partir de semana epidemiológica 01 del año 2023

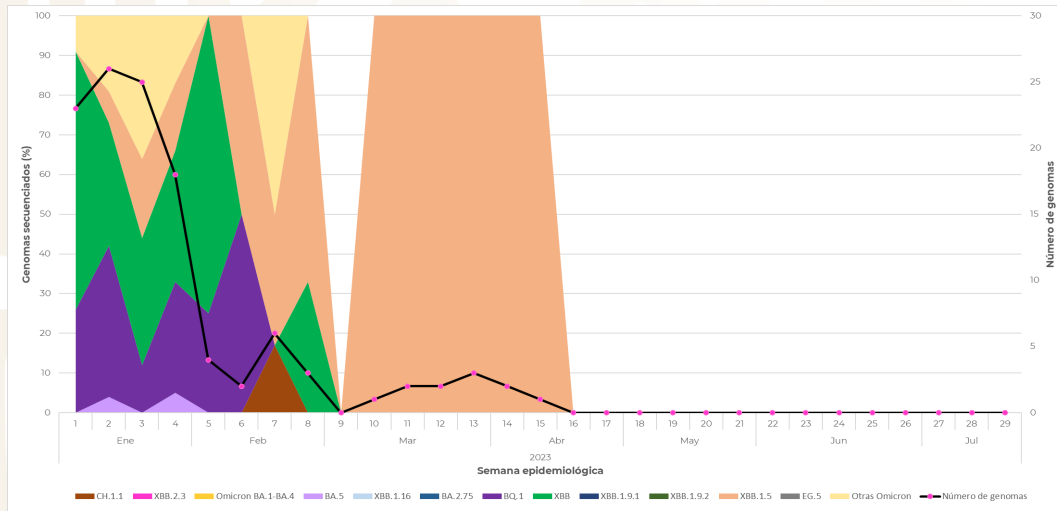
## CDM: Ciudad de México y Estado de México



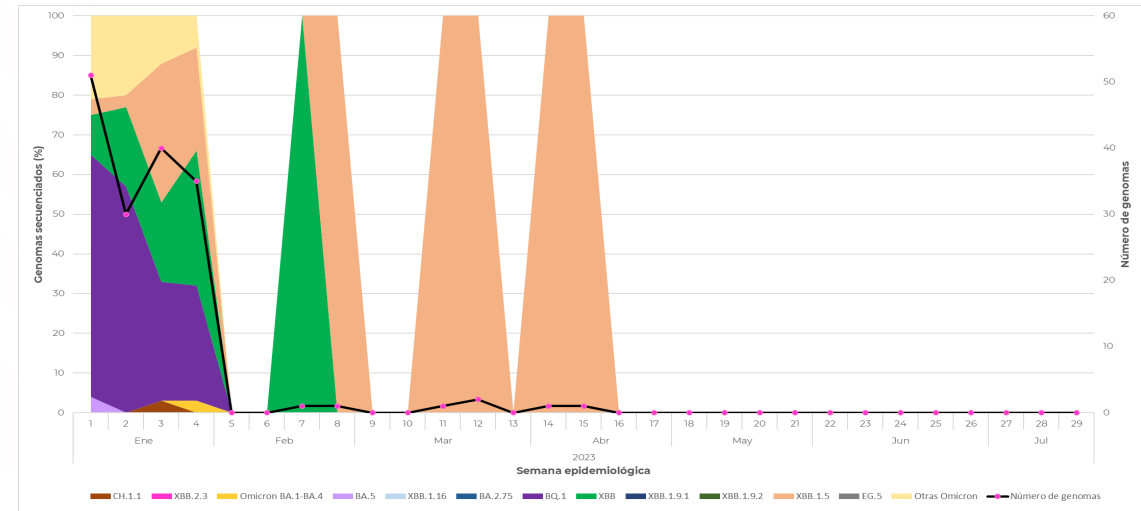
## PACÍFICO NORTE: BCN, BCS, Nayarit, Sinaloa, Sonora



## CTR: Hidalgo, Tlaxcala y Veracruz

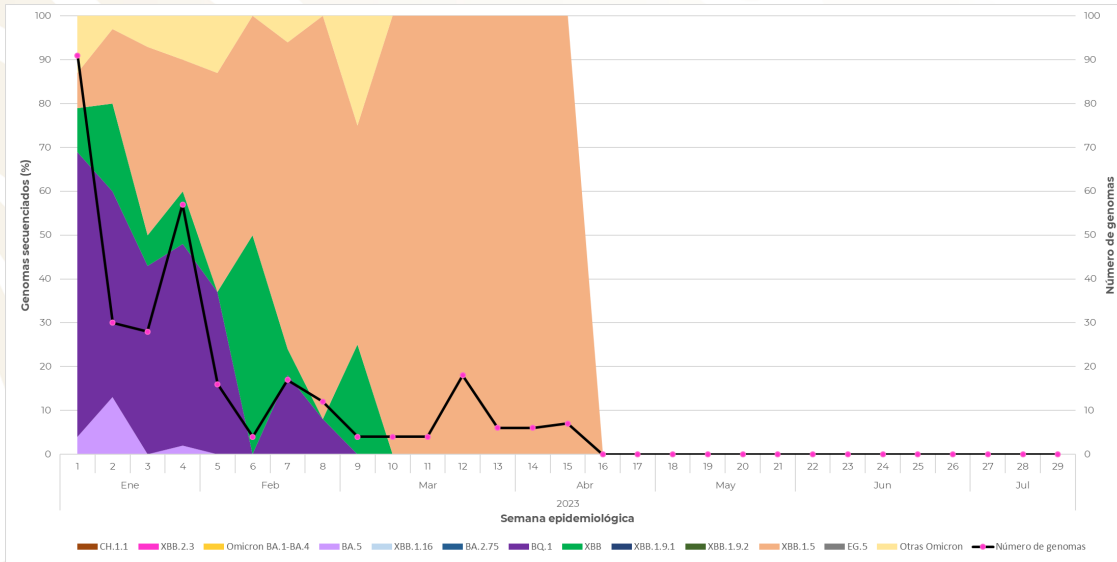


## FRO: Chihuahua, Coahuila, Nuevo León y Tamaulipas

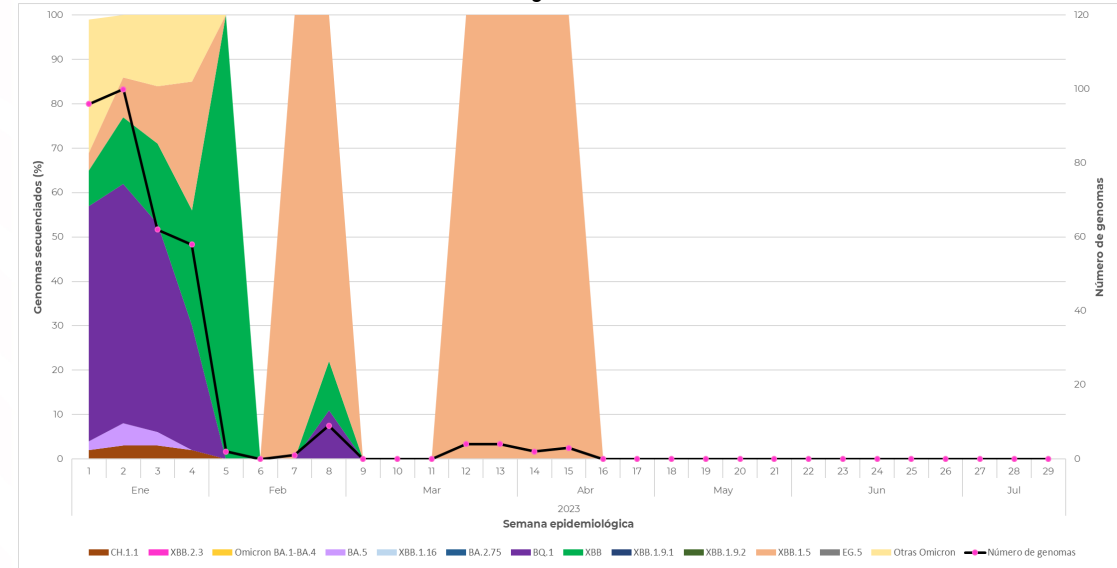


# Variantes de SARS-CoV-2 por regiones a partir de semana epidemiológica 01 del año 2023

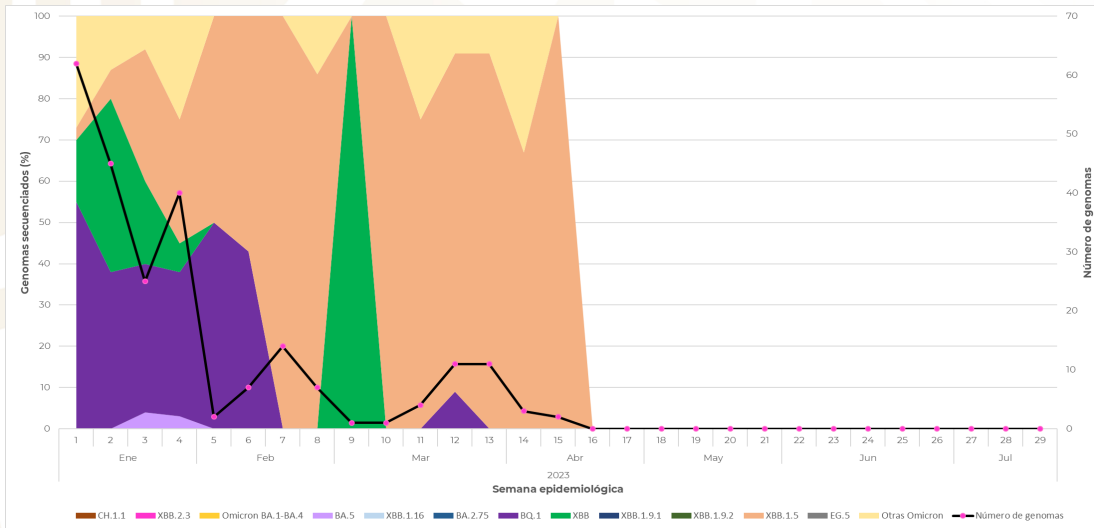
**PCC:** Colima, Jalisco y Michoacán



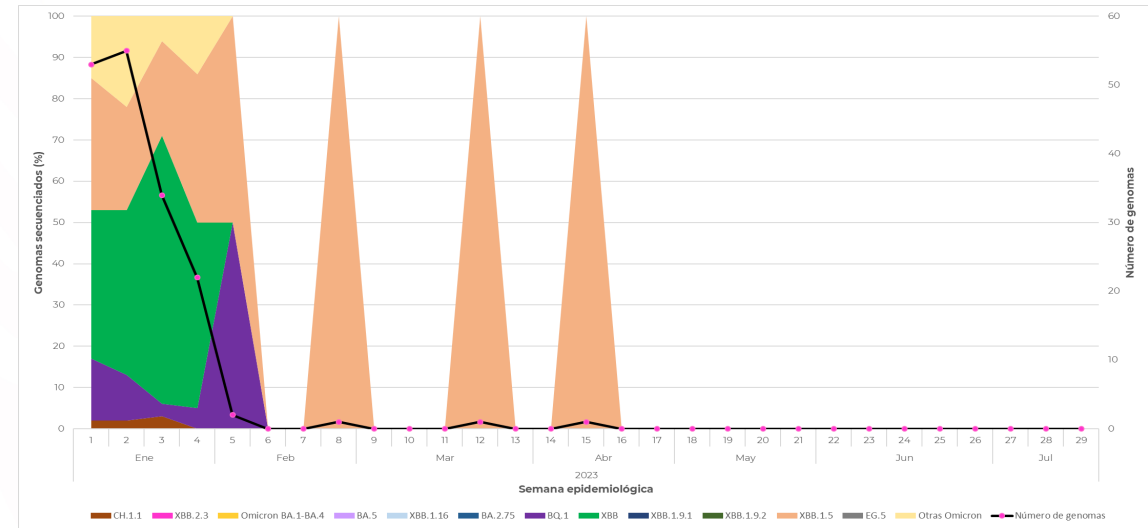
**CEN:** Aguascalientes, Durango, Guanajuato, Querétaro, San Luis Potosí y Zacatecas



**PCS:** Guerrero, Morelos, Oaxaca y Puebla



**PEN:** Campeche, Chihuahua, Quintana Roo, Tabasco y Yucatán



Datos tomados de la base pública GISAID <https://www.gisaid.org/>

2023  
AÑO DE  
**Francisco VILA**

EL REVOLUCIONARIO DEL PUEBLO