

Reporte de vigilancia genómica del virus SARS-CoV-2 en México

Distribución nacional y estatal de variantes al 07 de noviembre de 2022

Dirección General de Epidemiología

Instituto de Diagnóstico y Referencia Epidemiológicos

Unidad de Desarrollo Tecnológico e Investigación Molecular



SALUD

SECRETARÍA DE SALUD



2022 *Ricardo Flores*
Año de *Magón*

PRECURSOR DE LA REVOLUCIÓN MEXICANA

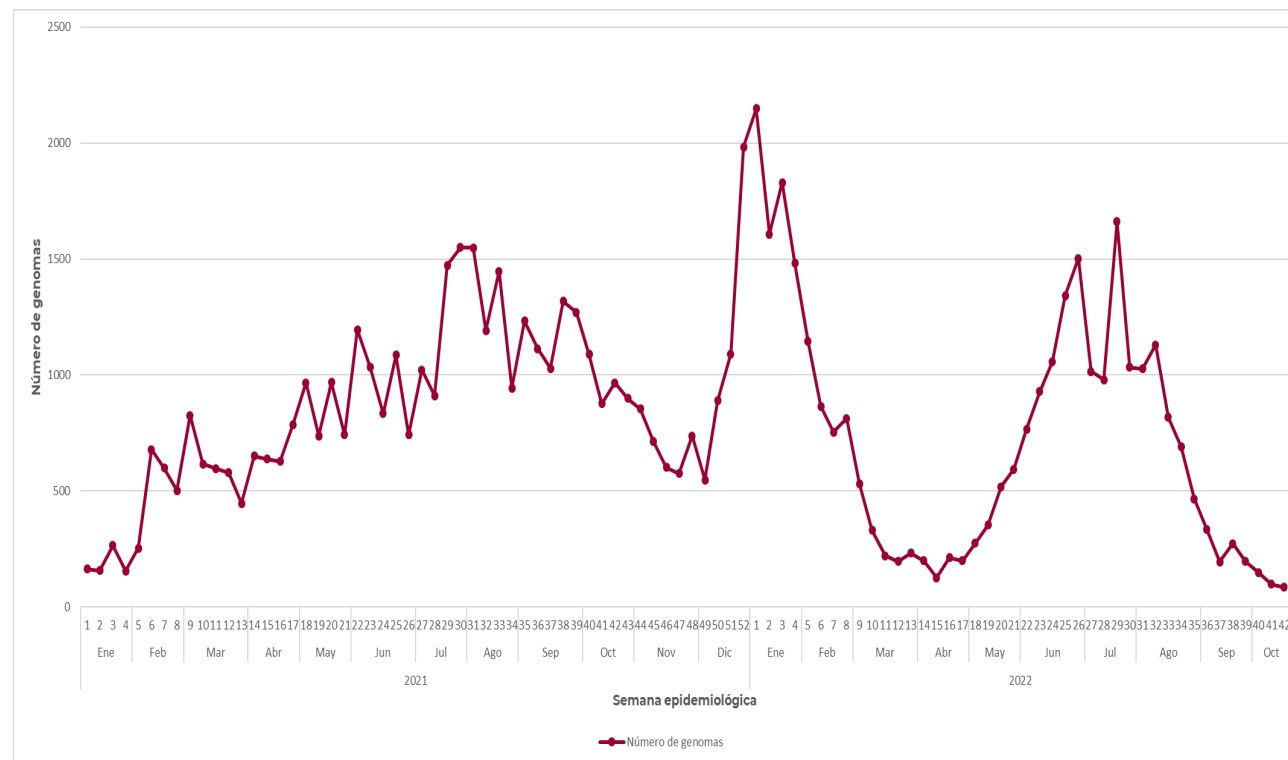
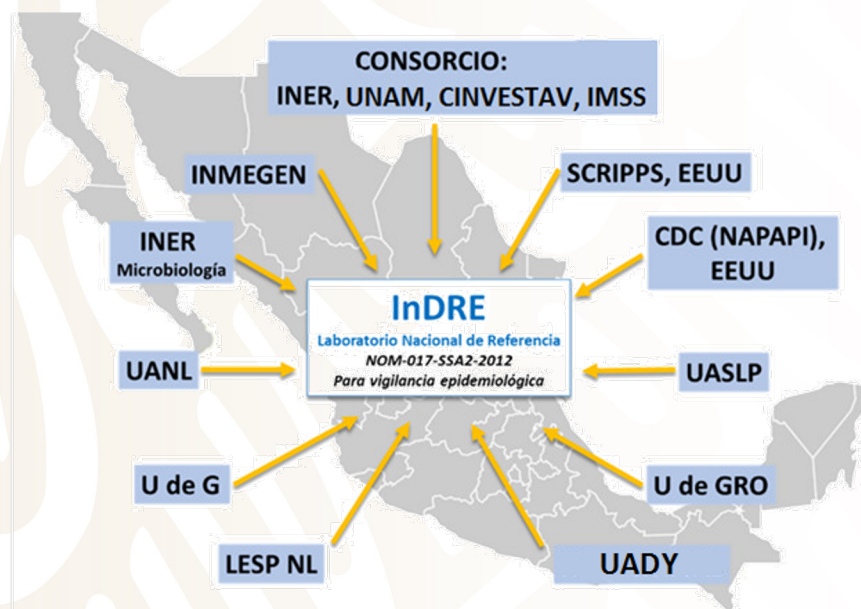
Importancia de la vigilancia genómica

- Todos los virus cambian con el paso del tiempo, y también lo hace el SARS-CoV-2, el virus causante de la COVID-19.
- La mayoría de los cambios tienen escaso o nulo efecto sobre las propiedades del virus.
- Es importante vigilar estos cambios porque algunos pudieran influir sobre la propagación, gravedad de la enfermedad, eficacia de las vacunas o medicamentos, medios de diagnóstico u otras medidas de mitigación y control de la enfermedad.
- Actualmente existen tres clasificaciones de la Organización Mundial de la Salud sobre variantes:
 - Variantes de preocupación (VOC por sus siglas en inglés)
 - Subvariantes de Omicron bajo monitoreo (a partir del 12 de octubre 2022)
 - Variantes de interés (VOI por sus siglas en inglés)
 - Variantes bajo monitoreo (VUM por sus siglas en inglés)



Número de genomas estudiados en México durante la epidemia 2020-2022 de COVID-19

Al corte del 07 de noviembre de 2022 y análisis hasta la semana epidemiológica 42, un total de **79,277** secuencias se depositaron en GISAID, una iniciativa global de intercambio de datos de vigilancia genómica de virus de influenza y el SARS-CoV-2.



Variantes por entidad federativa: corte al 07 de noviembre 2022

Clasificación de la Variantes de acuerdo a la OMS.

<https://www.who.int/activities/tracking-SARS-CoV-2-variants/tracking-SARS-CoV-2-variants>

Dentro de la VOC Omicron se encuentra BA.

Datos tomados de la base pública GISAID

<https://www.gisaid.org/>

Estado	Omicron	Sublinajes de Omicron Bajo Monitoreo						Variantes específicas		B.1.1.519	Otros
		BJ.1	BA.2.75	BA.4.6.	XBB	BA.2.3.20	BA.5	BQ.1	BW.1		
Ciudad de México y Estado de México											
CDMX	6,402	-	5	36	-	-	3,324	9	1	2,932	7,825
MEX	2,232	-	3	7	-	-	1,047	2	2	833	2,874
Frontera											
CHH	396	-	-	-	0	-	86	-	-	190	935
COA	273	-	-	-	-	-	113	-	-	54	909
NLE	834	-	-	1	-	-	343	2	1	267	2,365
TAM	604	-	-	1	-	-	281	-	-	55	944
Pacífico norte											
BCN	975	-	1	7	-	-	252	2	-	33	2,917
BCS	457	-	-	-	-	-	127	-	-	77	564
NAY	137	-	-	-	-	-	10	-	-	24	226
SIN	620	-	-	3	-	-	63	-	-	138	1,495
SON	330	-	-	6	-	-	125	-	-	23	1,003
Pacífico centro											
COL	205	-	-	-	-	-	95	-	-	27	329
JAL	996	-	-	1	-	-	333	-	-	184	1,095
MIC	308	-	-	1	-	-	85	-	-	103	533
-											
GRO	382	-	-	-	-	-	180	-	-	80	217
MOR	184	-	-	-	-	-	91	-	-	237	492
OAX	465	-	-	1	-	-	145	-	-	69	379
PUE	513	-	-	2	-	-	251	-	-	590	637
Centro											
HID	419	-	-	-	-	-	118	-	-	138	758
TLX	81	-	-	-	-	-	21	-	-	45	133
VER	691	-	-	-	-	-	81	-	-	312	1,187
Centro norte											
AGS	242	-	-	-	-	-	51	-	-	35	513
DUR	148	-	-	1	-	-	27	-	-	38	329
GUA	493	-	-	1	-	-	392	-	-	275	1,498
QRO	290	-	-	2	-	-	144	1	-	308	753
SLP	211	-	-	4	-	-	244	-	-	105	488
ZAC	286	-	-	2	-	-	136	-	-	228	599
Península											
CAM	316	-	-	-	-	-	146	-	4	71	591
CHP	446	-	1	-	-	-	129	1	-	33	444
QROO	630	-	1	3	-	-	309	-	-	45	1,247
TAB	683	-	-	-	-	-	102	-	2	280	1,374
YUC	1,741	-	-	3	-	-	489	4	85	384	2,451
TOTALES	22,990	0	11	82	0	0	9,340	21	95	8,213	38,104

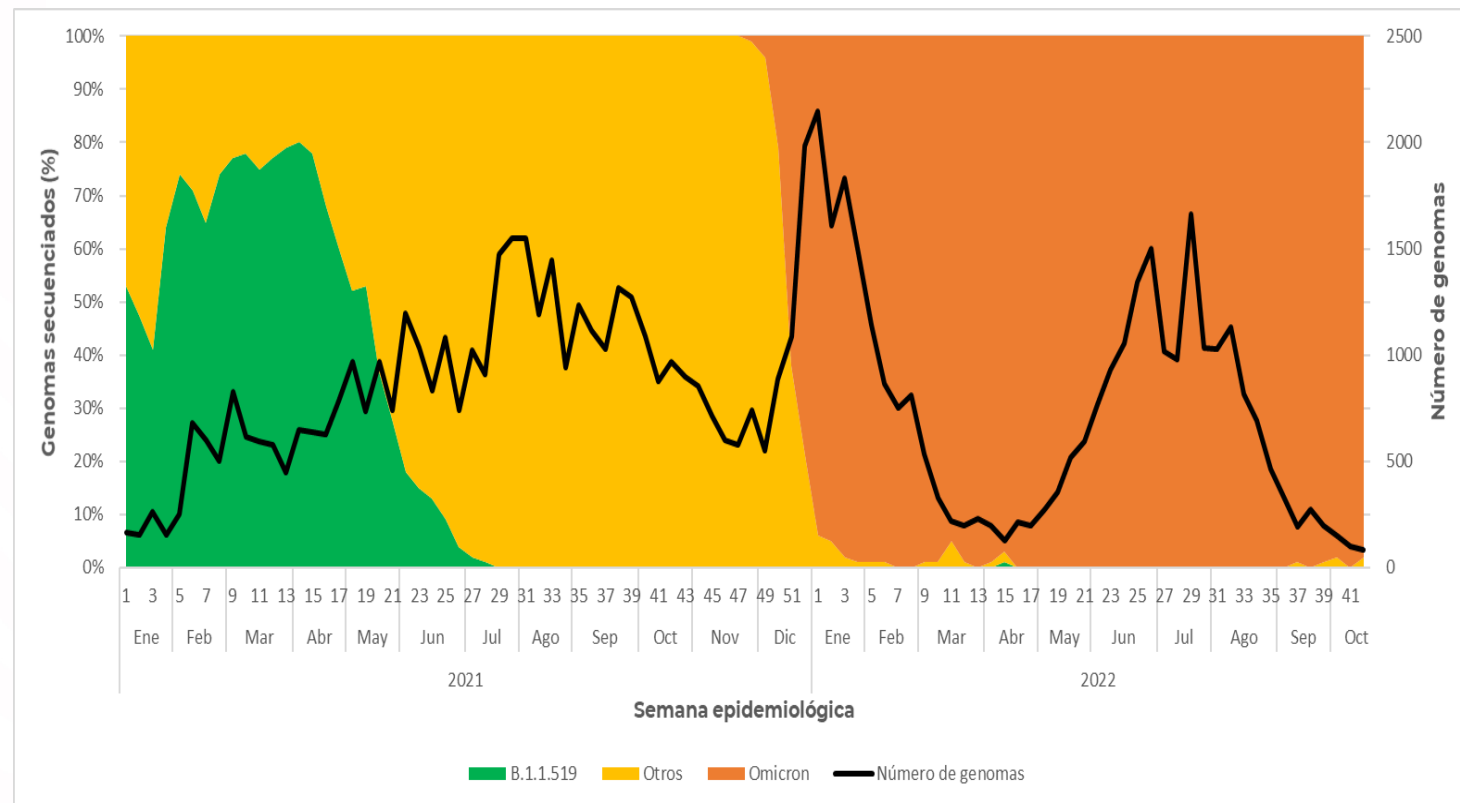


SALUD
SECRETARÍA DE SALUD



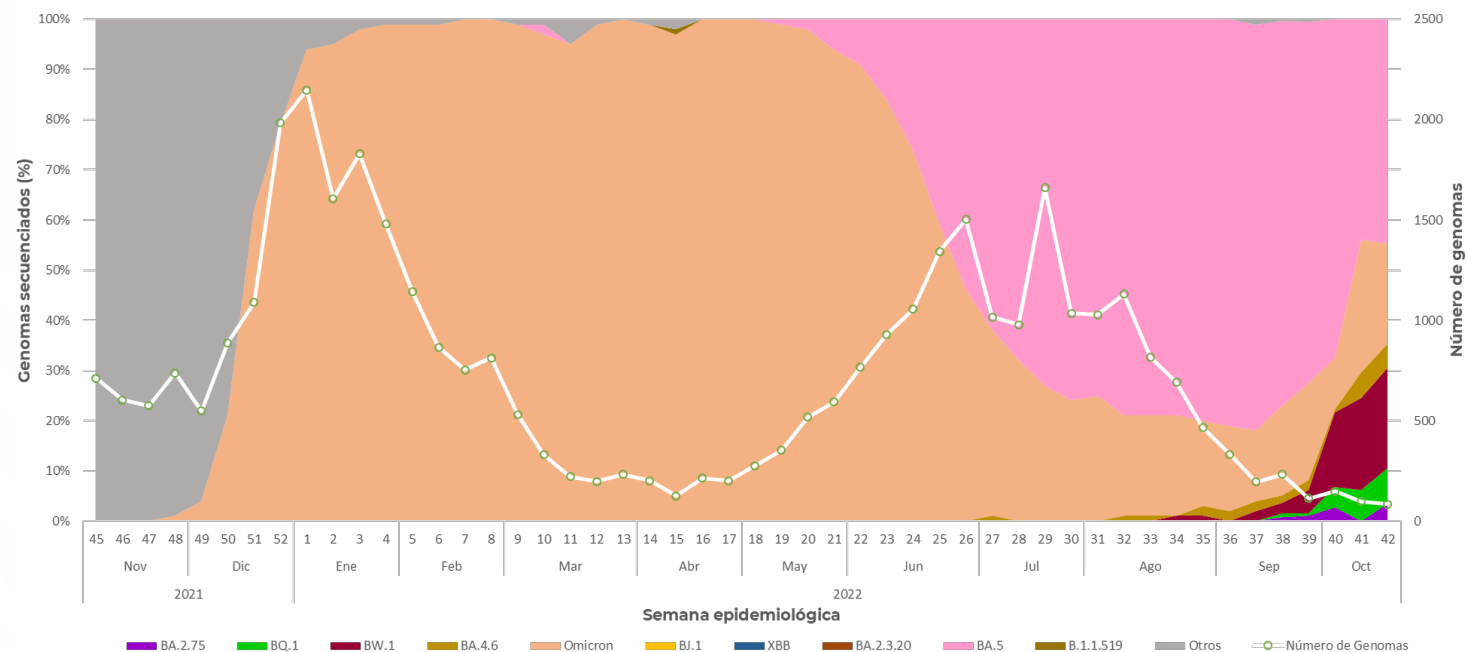
Variantes del virus SARS-CoV-2 a nivel nacional durante 2021-2022

- Semana 41, hay 98 secuencias registradas, el 100% son variante Omicron.
- Semana 42, hay 85 secuencias registradas, el 98% son variante Omicron y el 2% pertenecen a otras variantes.



Distribución de los linajes de Omicron en México

- Semana 41, hay 98 secuencias registradas. El **44%** son subvariante de Omicron **BA.5**, el **27%** son otras **variantes Omicron**, el **18%** sublinaje de Omicron **BW.1**, el **6%** sublinaje de Omicron **BQ.1** y el **5%** subvariante **BA.4.6**.
- Semana 42, hay 85 secuencias registradas. El **45%** son subvariante de Omicron **BA.5**, el **20%** son otras **variantes Omicron**, el **20%** son sublinaje de Omicron **BW.1**, el **7%** son sublinaje **BQ.1**, el **5%** son subvariante **BA.4.6**, el **1%** son subvariante **BA.2.75** y el **2%** pertenece a **otras variantes**.



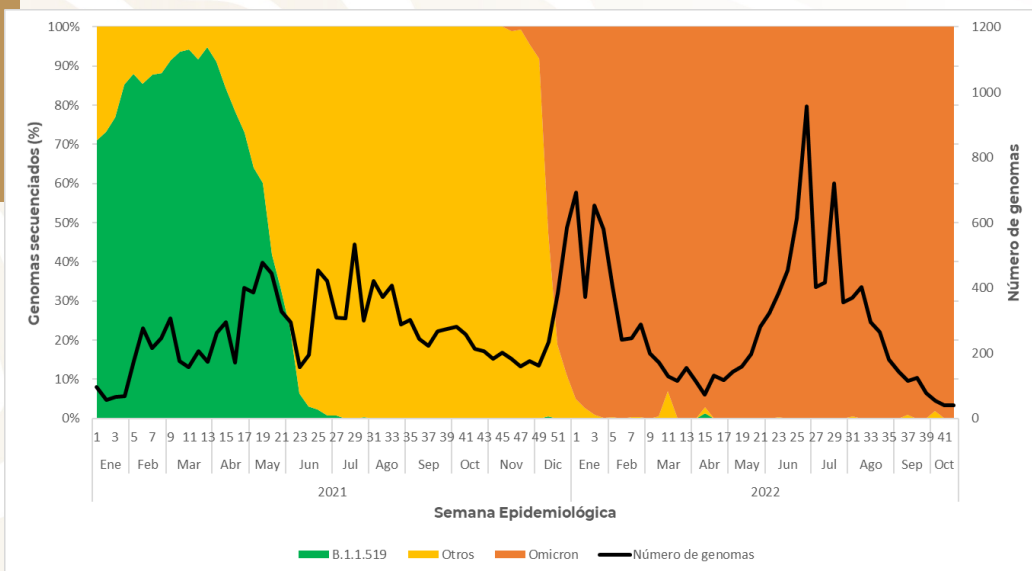
BQ.1, de reciente circulación en Europa, es un sublinaje de BA.5.3 y BW.1, encontrada principalmente en Yucatán, es un sublinaje de BA.5.6.2, ambas se encuentran consideradas en el presente reporte, sin embargo al momento no son consideradas subvariantes de Omicron bajo monitoreo por la OMS.

Datos tomados de la base pública GISAID <https://www.gisaid.org/>

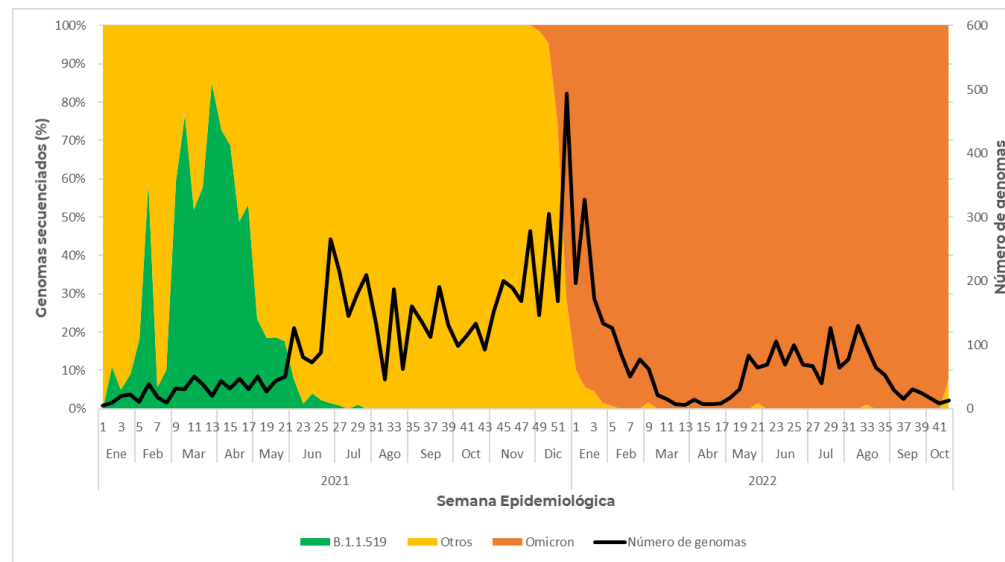
Clasificación de Variantes de acuerdo a la OMS <https://www.who.int/activities/tracking-SARS-CoV-2-variants/tracking-SARS-CoV-2-variants>



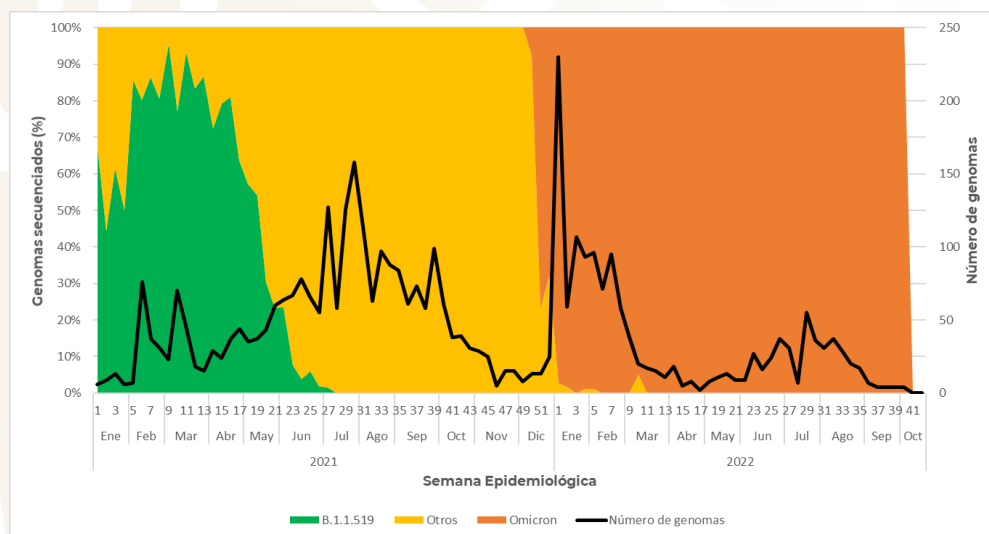
CDM



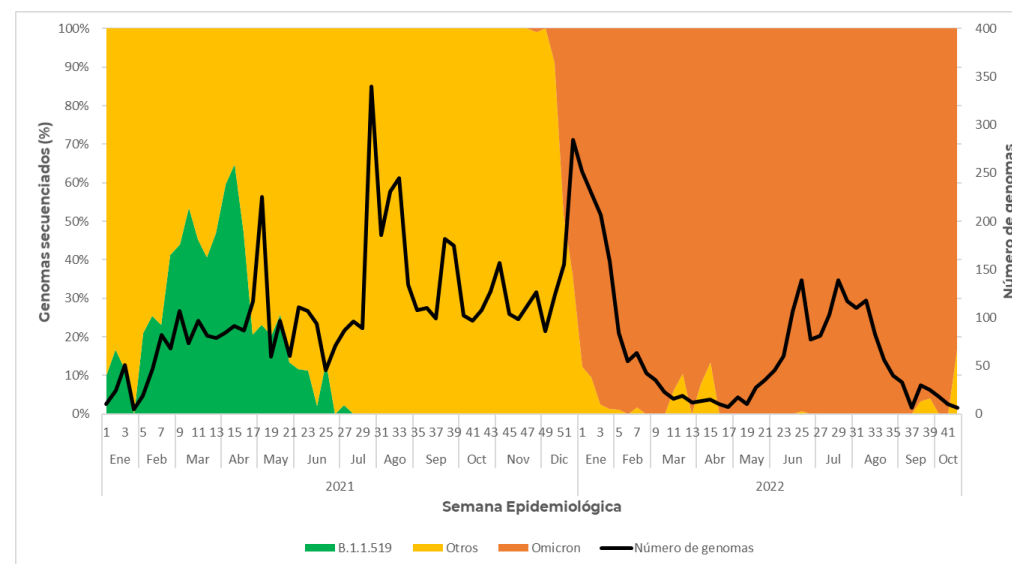
PCN



CTR

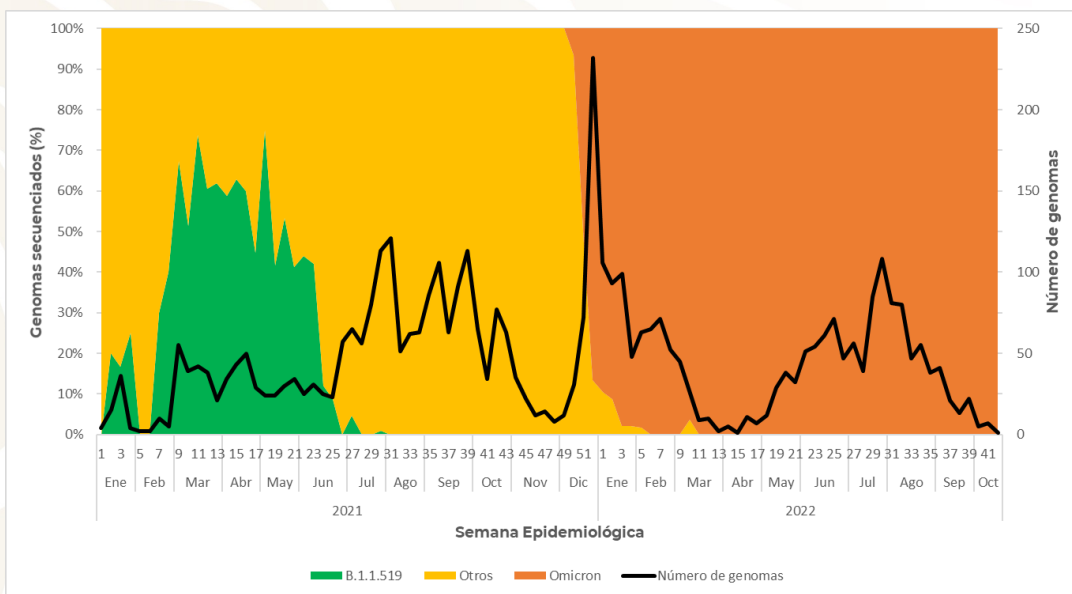


FRO

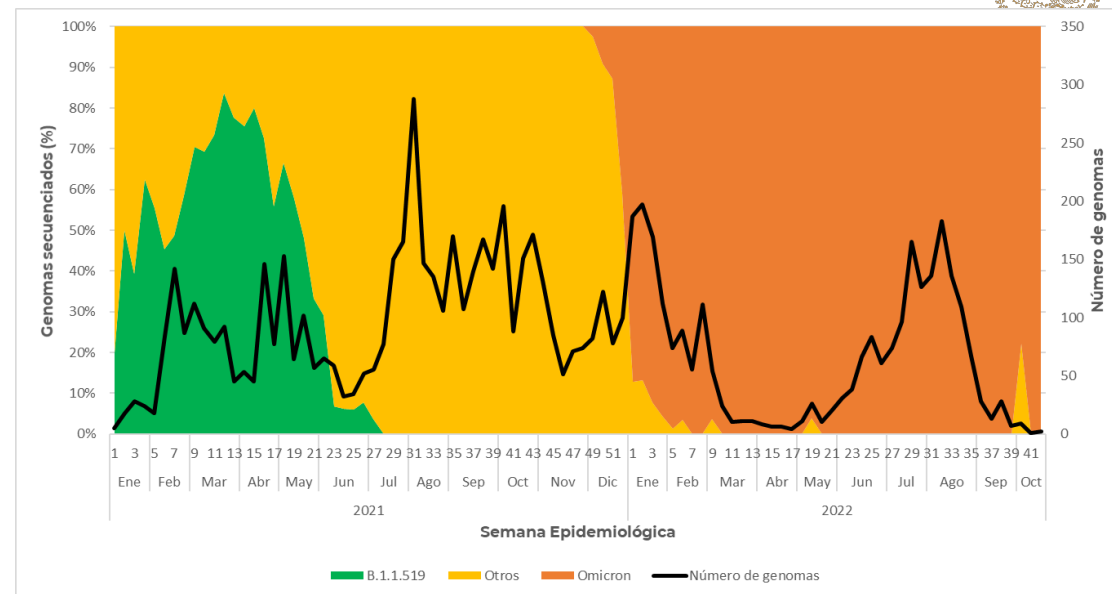


Datos tomados de la base pública GISAID <https://www.gisaid.org/>

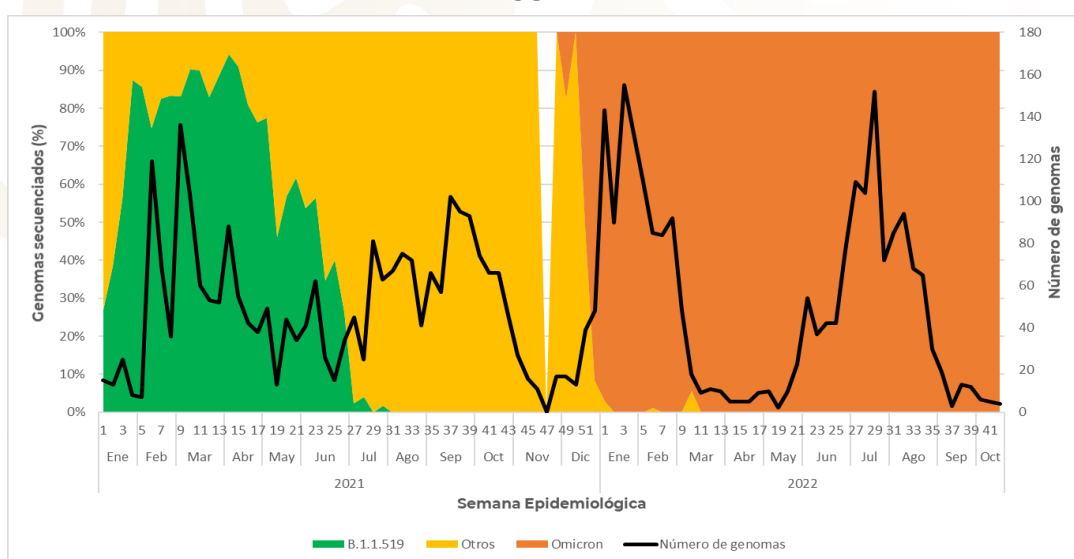
PCC



CEN



PCS



PEN

