Reporte de vigilancia genómica del virus SARS-CoV-2 en México Distribución nacional y estatal de variantes al 23 de junio de 2022

Dirección General de Epidemiología

Instituto de Diagnóstico y Referencia Epidemiológicos

Unidad de Desarrollo Tecnológico e Investigación Molecular







Importancia de la vigilancia genómica

- Todos los virus cambian con el paso del tiempo, y también lo hace el SARS-CoV-2, el virus causante de la COVID-19.
- La mayoría de los cambios tienen escaso o nulo efecto sobre las propiedades del virus.
- Es importante vigilar estos cambios porque algunos pudieran influir sobre la propagación, gravedad de la enfermedad, eficacia de las vacunas o medicamentos, medios de diagnóstico u otras medidas de mitigación y control de la enfermedad.
- Actualmente existen tres clasificaciones de la Organización Mundial de la Salud sobre variantes:
 - Variantes de preocupación (VOC por sus siglas en inglés)
 - Variantes de preocupación /Linajes bajo monitoreo (VOC-LUM por sus siglas en inglés)*
 - Variantes bajo monitoreo (VUM por sus siglas en inglés)

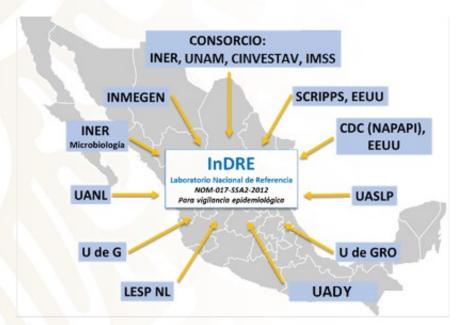


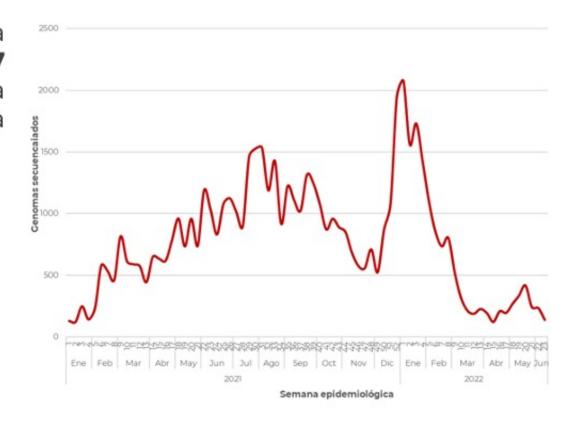
^{*} Conformado por sublinajes de Ómicron (BA4, BA5, BA.2.9.1, BA.2.12.1, BA.2.11, BA.2.13)



Número de genomas estudiados en México durante la epidemia 2020-2022 de COVID-19

Al corte del 23 de junio de 2022 y análisis hasta la semana epidemiológica 23, un total de **62,077** secuencias se depositaron en GISAID, una iniciativa global de intercambio de datos de vigilancia genómica de virus de influenza y el SARS-CoV-2.







Variantes por entidad federativa: corte al 23 de junio de 2022

Clasificación de la Variantes de acuerdo a la OMS.

https://www.who.int/activities/tracking-SARS-CoV-2-variants/tracking-SARS-CoV-2-variants

Las VOC/LUM son linajes que esta incluídos en la columna de Omicron

Datos tomados de la base pública GISAID https://www.gisaid.org/

	VOC		VOC LUMS					Sublinajes Omicron					
Estado	Delta	Omicron	BA.4	BA.5	BA.2.12.1	BA.2.9.1	BA.211	BA.2.13	BA.1	BA.2	BA.3	BA.2.9	BA.2.12
Cludad de México y Estado de México													
CDMX	4,928	-	18	51	157			3	3,751	475		135	77
MEX	2,200	-	7	17	62		-		1,084	190	-	44	45
	22 - 24			× :	SS 50	Fron	ntera	969 S	ē.		0	78 8	
CHH	675	-	-	-	1	-		1	238	8	-	-	2
COA	684	- 0		্ৰ	1	12		. %	158	2		1	- 2
NLE	913			- 2	12	2			445	12	- 1	8	
TAM	562		1.0	-1	2	-			485	7	-	2	-
Pacifico norte													
BCN	1,732			-	9	-			695	18	-	0	1
BCS	439	-		-	14	-			173	23	-	15	1
NAY	185	- 0.0		14.		(-		1.0	124	1	-	1	-
SIN	1,209	-		-	11			1.6	446	10	-	1	1
SON	777	-		-	1				220	2	-	-	
Pacífico centro													
COL	272		2	-	1				108	8		2	-
JAL	811	-		1	20	-		- 1	581	30	-	10	
MIC	455	-		-	3				226	6		3	-
Pacifico sur													
GRO	152	-		- 0	3	7.		. 4	310	5	- 1	3	1
MOR	390	-			1	-			119	2			1
OAX	244	- 2		-	-	-	-	-	302	6	9	5	3
PUE	425	1.		-	3	-		-	307	7	-	8	
Centro													
HID	533			1	2	7 -	-	1.5	358	8	-	2	3
TLX	97	- 00		14.			-	1.5	62			2	-
VER	800	-	-	-	3	-			526	5	-	33	
Centro norte													
AGS	388	-		1.5	5	-			190	10	-	4	•
DUR	269	-		-		-	-		78	-	-	-	-
CUA	1,185	-		-	1	-			331	4	-	4	-
QRO	559				2	-			193	13	-	2	
SLP	356	-		-		-			151	2	-		-
ZAC	396	-	-	-	1	-		-	184	5	-		
Península													
CAM	390	1-1			1	-			135	1	-	21	
CHP	355	-		1 7	1	-			360	14	-	7	1
QROO	669	-		7	8	-			424	35	-	30	8
TAB	883	9.0		2	14			1.0	439	17		9	3
YUC	1,304		1 20	3	29	-			747	142		180	15
TOTALES	25,227	0	28	84	368	0	0	4	13,940	1,068	0	532	160

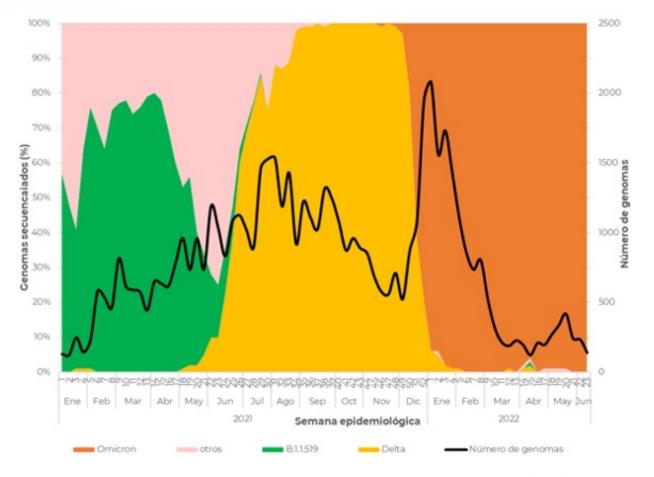






Variantes del virus SARS-CoV-2 a nivel nacional durante 2021-2022

- Semana 22 hay 233 secuencias registradas el 100% son variante Omicron.
- Semana 23 hay 137 secuencias registradas el 100% son variante Omicron.







Distribución de los linajes de Omicron

en México

- Semana 22 hay 233 secuencias registradas el 30% son linaje BA.2.12.1, BA.2 en el 26%, BA.5 el 14%, BA.2.12 el 13%, BA.2.9 el 12%, BA.4 el 4% y el 1% BA.2.13.
- Semana 23 hay 137 secuencias registradas el 26% son linaje BA.2, BA.5 en el 24%, BA.2.12.1 el 22%, BA.2.12 el 18%, BA.2.9 el 5%, BA.4 el 4%, BA.1 el 1%.

