Reporte de vigilancia genómica del virus SARS-CoV-2 en México Distribución nacional y estatal de variantes al 16 de mayo de 2022

Dirección General de Epidemiología

Instituto de Diagnóstico y Referencia Epidemiológicos

Unidad de Desarrollo Tecnológico e Investigación Molecular







Importancia de la vigilancia genómica

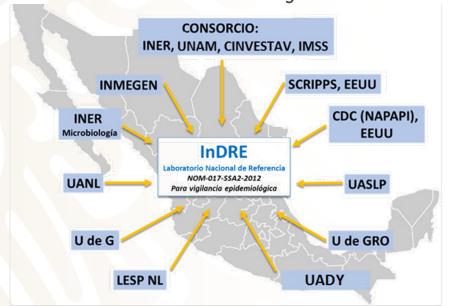
- Todos los virus cambian con el paso del tiempo, y también lo hace el SARS-CoV-2, el virus causante de la COVID-19.
- La mayoría de los cambios tienen escaso o nulo efecto sobre las propiedades del virus.
- Es importante vigilar estos cambios porque algunos pudieran influir sobre la propagación, gravedad de la enfermedad, eficacia de las vacunas o medicamentos, medios de diagnóstico u otras medidas de mitigación y control de la enfermedad.
- Actualmente existen tres clasificaciones de la Organización Mundial de la Salud sobre variantes:
 - Variantes de preocupación (VOC por sus siglas en inglés)
 - Variantes de interés (VOI por sus siglas en inglés)
 - Variantes bajo monitoreo (VUM por sus siglas en inglés)



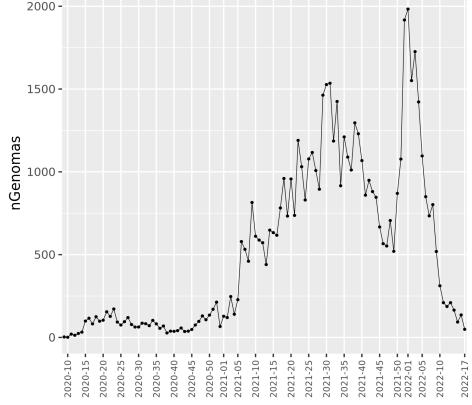


Número de genomas estudiados en México durante la epidemia 2020-2022 de COVID-19

Al corte del 16 de mayo de 2022 y análisis hasta la semana epidemiológica 17, un total de **59,710** secuencias se depositaron en GISAID, una iniciativa global de intercambio de datos de vigilancia genómica de virus de influenza y el SARS-CoV-2.



Genomas de SARS-CoV-2 secuenciados en México





Variantes por entidad federativa: corte al 16 de mayo de 2022

	voc		VUM	
Estado	Delta	Omicron	B.1.640	B.1.1.519
	Ciudad	de México y Estado de	México	-
Ciudad de México	4,924	3,895	-	2,905
Estado de México	2,200	1,136	-	848
		Frontera		
Chihuahua	672	227	-	189
Coahuila	684	154	-	54
Nuevo León	900	441	-	247
Tamaulipas	562	477	-	55
		Pacifico norte		
Baja California	1,732	682	-	30
Baja California Sur	439	178	-	77
Nayarit	185	126	-	24
Sinaloa	1,209	437	-	138
Sonora	777	219	-	23
		Pacifico centro		
Colima	272	105	-	27
Jalisco	811	574	-	183
Michoacán	455	220	-	97
		Pacifico sur		
Guerrero	152	310	-	75
Morelos	390	119	-	228
Oaxaca	244	301	-	59
Puebla	425	302	-	591
		Centro		
Hidalgo	533	351	-	133
Tlaxcala	97	61	-	45
Veracruz	800	535	-	301
		Centro norte		
Aguascalientes	384	166	-	27
Durango	269	73	-	38
Guanajuato	1184	312	-	262
Querétaro	559	187	-	308
San Luis Potosí	356	148	-	106
Zacatecas	396	180	-	229
		Península		
Campeche	380	139	-	71
Chiapas	355	356	-	33
Quintana Roo	669	446	-	43
Tabasco	883	441	-	280
Yucatán	1150	673	-	379
TOTALES	25,048	13,971	0	8105

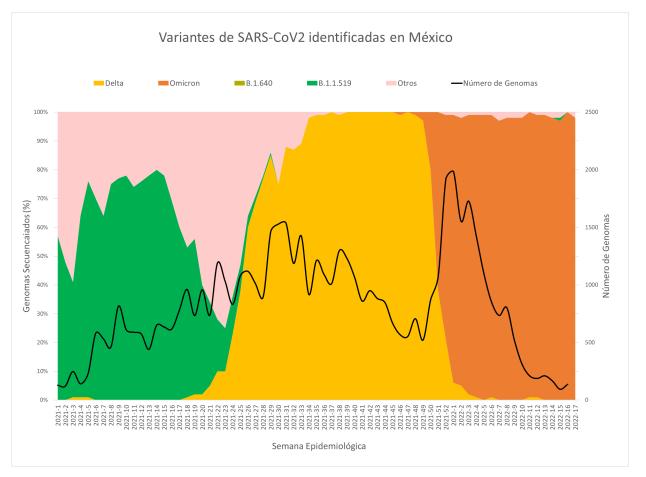






Variantes del virus SARS-CoV-2 a nivel nacional durante 2021-2022

- Semana 16 hay 136 secuencias registradas el 100% son variante Omicron.
- Semana 17 hay 49 secuencias registradas el 98% son variante Omicron y el 2% otros linajes.

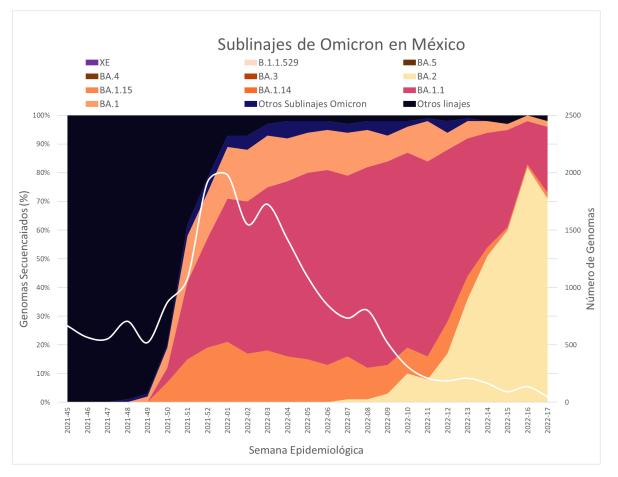






Distribución de los linajes de Omicron en México

- Semana 16 hay 136 secuencias registradas el 82% son linaje BA.2, el 15% BA.1.1, el 2% BA.1, el 1% BA.1.15.
- Semana 17 hay 49 secuencias registradas el 71% son linaje BA.2, el 23% BA.1.1, el 2% BA.1, el 2% BA.1.15, el 2% otros linajes.

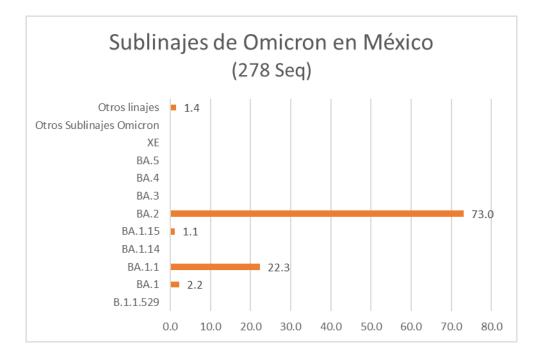






Distribución de los linajes de Omicron en México

 Hay 278 secuencias registradas de la semana 15 a la 19, el 73% son linaje BA.2, el 22.3% BA.1.1, el 2.2% BA.1, el 1.1% BA.1.15, el 1.4% Otros linajes.







Variantes del virus SARS-CoV-2 identificadas por región en México

- Ciudad de México y Estado de México (CDM).
- Pacífico Norte (PCN) (Baja California Norte, Baja California Sur, Sonora, Sinaloa, Nayarit).
- Centro (CTR) (Hidalgo, Tlaxcala, Veracruz).
- Frontera (FRO) (Coahuila, Tamaulipas, Nuevo León, Chihuahua).
- Pacífico Centro (PCC) (Jalisco, Michoacán, Colima).
- Centro Norte (CNN) (Querétaro, Zacatecas, San Luis Potosí, Aguascalientes, Durango, Guanajuato).
- Pacífico Sur (PCS) (Puebla, Morelos, Guerrero, Oaxaca).
- Península (PEN) (Quintana Roo, Campeche, Tabasco, Yucatán, Chiapas).





